



Con il
Patrocinio della SISC



AB Applied
Biosystems

CORSO TEORICO-PRATICO SU: TECNOLOGIE PROTEOMICHE E APPLICAZIONI CLINICHE

Palermo 13-16 ottobre 2003

Centro di Oncobiologia Sperimentale

Viale delle Scienze, 90128 Palermo

DOCENTI E RELATORI DEL CORSO

Prof. Ida Pucci Minafra: Università di Palermo, Coordinatore; **Prof. Daniela Quaglino:** Università di Modena; **Prof. Salvatore Minafra:** Università di Palermo; **Prof. Vito Di Gesù:** Università di Palermo; **Prof. Salvatore Feo:** Università di Palermo; **Dr. Enrico Garattini:** Istituto Mario Negri, Milano; **Dott.ssa Cecilia Gelfi:** CNR-IBFM, Milano; **Dr. Marco Biglietto:** Applied Biosystems; **Dott.ssa Simona Fontana:** Università di Palermo; **Dr. Marco Milazzo:** Università di Palermo; **Dott.ssa Patrizia Cancemi:** Università di Palermo; **Dott.ssa Marilisa Barranca:** Università di Palermo; **Dr. Giampiero La Rocca:** Università di Palermo; **Dott.ssa Monica Giungi:** Università di Palermo

Segreteria Scientifica: Simona Fontana, Patrizia Cancemi, Marilisa Barranca

Segreteria Organizzativa: Centro di Oncobiologia Sperimentale

Tel/Fax: 091 424903; e-mail: cobs@unipa.it

OBIETTIVO DEL CORSO

Il Corso intende fornire ai partecipanti, laureati in medicina, biologia e biotecnologie, gli strumenti metodologici e culturali su cui si basa l'analisi proteomica indirizzata alla ricerca biomedica e alla clinica. L'area di ricerca proteomica è altamente multidisciplinare e richiede l'integrazione di metodologie biochimiche, bioanalitiche e bioinformatiche che saranno presentate ai partecipanti, sia dal punto di vista teorico che pratico, durante lo svolgimento del Corso. Inoltre verranno proposti alcuni esempi di possibili applicazioni della proteomica alla clinica.

ARTICOLAZIONE DEL CORSO

A) Proteomica Cognitiva-Sistematica: costruzione di mappe di riferimento delle proteine espresse in cellule e tessuti umani per la caratterizzazione molecolare del fenotipo. Prevede le seguenti fasi:

preparazione del campione, elettroforesi bidimensionale 2D-IPG, metodi di rivelazione delle proteine separate nella 2D-IPG, analisi computerizzata delle mappe proteomiche, metodi di identificazione delle proteine, utilizzo delle banche dati.

B) Proteomica Differenziale: quantificazione delle proteine differenzialmente espresse e identificazione di molecole coinvolte nei processi fisiologici e fisio-patologici. Prevede le seguenti fasi:

comparazione tra colorazione convenzionale e in fluorescenza, analisi quali/quantitativa delle proteine visualizzate nella mappa proteomica, analisi statistica per l'elaborazione dei dati, correlazione di espressione proteica con profili di espressione genica.

C) Esempi di applicazioni proteomiche alla clinica:

Il carcinoma mammario, le leucemie, lo Pseudoxantoma elasticum, l'invecchiamento cellulare, strategie terapeutiche.

INFORMAZIONI PER I PARTECIPANTI

*Il Corso è riservato a N° 15 partecipanti. E' stato richiesto l'accreditamento del Corso (per N° 5 laureati in Medicina e N° 10 in Biologia) nell'ambito del programma **E.C.M.** presso la Commissione Nazionale del Ministero della Salute (N° di riferimento 8833 – 64937).*

La quota di partecipazione al Corso è di € 500,00 e include: materiali e reagenti da utilizzare per le prove pratiche, dispense del corso, le colazioni di lavoro.

La data di scadenza per l'iscrizione è il 15 Settembre 2003 ed è subordinata al versamento della quota di partecipazione. Le domande verranno accettate in ordine di arrivo.

Per informazioni e richiesta del modulo di partecipazione rivolgersi alla segreteria organizzativa: Centro di Oncobiologia Sperimentale Tel/Fax: 091 424903; e-mail: cobs@unipa.it

Il programma e i moduli per l'iscrizione saranno anche reperibili in rete al sito:

www.sisc.unimo.it